

Sachverzeichnis

A

- ABCA1 82
ACAT, siehe Acyl-CoA-Cholesterin-Acyltransferase
 Acetacetat 66
 - Aminosäureabbau 105, 107
 - Ketogenese 67
 - Ketonkörperabbau 67
 Acetacetyl-ACP 71
 Acetacetyl-CoA
 - Cholesterinsynthese 77
 - Ketogenese 67
 - Ketonkörperabbau 67
 - β -Oxidation 63
 Acetacetyl-CoA-Synthetase 77
 Acetaldehyd, Threoninabbau 103
 Aceton 66–67
 Acetonitril 51
 Acetyl-ACP 71
 Acetyl-CoA
 - Aminosäureabbau 102, 106–107
 - ATP-Ausbeute 65, 67
 - Cholesterinsynthese 77
 - Citratzyklus 40–41
 - Citratzyklus, Regulation 43
 - Diabetes mellitus 66, 69
 - Fettsäuresynthese 70–71
 - Gluconeogenese 31
 - Ketogenese 67
 - Ketonkörperabbau 67
 - Nahrungskarenz 66, 68
 - β -Oxidation 63
 - PDH-Komplex, Regulation 39
 - Pyruvatcarboxylase, Regulation 31
 - Pyruvatedcarboxylierung 39
 - Transport 70
 Acetyl-CoA-Carboxylase 70
 - Regulation 72
 Acetyllykopnamid 39
 Aconitase, Citratzyklus 41
 Aconithydratase 41
 ACP (Acylcarrierprotein) 70–71
 Acyladenylat 62
 Acyl-AMP 62
 Acylcarnitin 62
 Acylcarnitintranslokase 62
 Acylcarrierprotein (ACP) 70
 Acyl-CoA 62
 Acyl-CoA-Cholesterin-Acyltransferase 81–82
 Acyl-CoA-Dehydrogenase 62
 Acyl-CoA-Synthetase 62
 1-Acylglycerin-3-phosphat-Acyltransferase (AGPAT) 74
 Acylglycerinlipase 55, 61
 Adenosindiphosphat, *siehe* ADP
 Adenosinmonophosphat, *siehe* AMP
 Adenosintriphosphat, *siehe* ATP
 Adenylatzyklase, Glucagon 24, 32, 34
 ADH, PDH-Komplex, Regulation 39
 Adipozyten-Triglyceridlipase (ATGL) 61
 ADP
 - Citralsynthase, Regulation 43
 - Citratzyklus, Regulation 43
 - Gluconeogenese 31–32
 - Isocitratdehydrogenase, Regulation 43
 - PFK-1, Regulation 24
 - Phosphoenolpyruvat-Carboxykinase, Regulation 32
 - Pyruvatcarboxylase, Regulation 31
 Adrenalin
 - Acetyl-CoA-Carboxylase, Regulation 72
 - Fettsäuresynthese 72
 - Glykogenstoffwechsel 34
 Aglykon 10
 Agmatin, biogenes Amin 110
 AGPAT (1-Acylglycerin-3-phosphat-Acyltransferase) 74
 Ahornsirupkrankheit 105
 Alanin 86
 - Abbau 102–103
 - biogenes Amin 110
 - Gluconeogenese 30
 - NH₃-Entsorgung 100
 - nicht proteinogene Aminosäure 87
 - Struktur 85
 - Synthese 112
 - Titrationskurve 89
 - Transaminierung 97
 - Tryptophanabbau 106
 Alaninaminotransferase, *siehe* Alanaminotransaminase
 Alanintransaminase
 - Alaninabbau 103
 - Gluconeogenese 30
 - Glutamatabbau 104
 - Transaminierung 97
 Alaninzyklus 30
 Albinismus 109
 Aldarsäure 9
 Alditol 10
 Aldolase A
 - Gluconeogenese 26, 29
 - Glykolyse 19
 Aldolase B 37–38
 Aldonsäure 9
 Aldose 5
 - Oxidation 9
 - Reihe 5–6
 - Ringschluss 7
 Aldoseruktase 37
 Alkohol, aktiverter 75
 ALT, *siehe* Alanintransaminase
 Amidgruppe 86
 Amin, biogenes 98, 110
 Aminierung 98
 Aminoacylat 102
 γ -Aminobuttersäure, *siehe* GABA
 Aminopeptidase 97
 Aminopropanol, biogenes Amin 110
 Aminosäure
 - als Puffer 89
 - Biomolekülvorstufe 108
 - Buchstaben-Code 85
 - chemische Eigenschaft 88
 - Chiralitätszentrum 84
 - Diabetes mellitus 69
 - D/L-System 84
 - Eigenschaft 84
 - Einteilung 86
 - essenzielle 111
 - Fischer-Projektion 84
 - Funktion 84
 - gemischt gluco- und ketogen 102
 - glucogene 102
 - Gluconeogenese 30
 - glucoplastische 102
 - im elektrischen Feld 90
 - isoelektrischer Punkt 85
 - kanonische 84
 - ketogene 102
 - ketoplastische 102
 - klassische 84
 - Ladungszustand 88
 - Nachweis 84
 - nicht essenzielle 111
 - nicht proteinogene 87
 - Peptidbindung 91
 - physikalische Eigenschaft 88
 - proteinogene 84
 - rein ketogene 102
 - semiessenzielle 111
 - Struktur 84
 - Synthese 111–112
 - Titrationskurve 89
 - verzweigtketige 86
 - Vorstufe für biogenes Amin 110
 - Zwitterion 88
 Aminosäureabbau 96–98
 - Weg des Kohlenstoffs 102
 - Weg des Stickstoffs 99
 Aminosäuredcarboxylase 98
 Aminosäuresequenz 92
 - Schreibweise 91
 Aminosäurestoffwechsel 102
 Aminoterminal 91
 Aminotransferase 97
 Aminozucker 15
 α -Amino- β -Ketobutyrat 103
 Ammoniak 98
 - Aminosäureabbau 99–100
 - Harnstoffzyklus 100
 Ammonium 98
 - Aminosäureabbau 99
 - Harnstoffzyklus 100
 Amobarbital 51
 AMP 34
 - Gluconeogenese 32
 - Glykogenphosphorylase, Regulation 35
 - Glykogenstoffwechsel 35
 - PFK-1, Regulation 24
 AMP, Fructose-1,6-bisphosphatase, Regulation 32
 AMP-abhängige Proteinkinase 34, 72, 79
 amphibol 42
 amphiphil 53, 56
 Ampholyt 88
 Amphoter 88
 AMPK, *siehe* AMP-abhängige Proteinkinase
 Amylo-(1,4→1,6)-Transglucosylase 33
 Amylo-1,6-Glucosidase 34
 Amylopektin 14–15
 Amylose 14–15
 Anomer 7, 12
 Antimycin A 51
 Apolipoprotein 80–81
 Apolipoprotein A-I 80, 82
 Apolipoprotein B-100 80–82
 Apolipoprotein B-48 80–81
 Apolipoprotein C-II 80–81
 Apolipoprotein E 80–81
 Äquivalenzpunkt, Titrationskurve 89
 Arachidonsäure 54
 - Synthese 72
 Arginase 100, 103
 Arginin 86
 - Abbau 103
 - Biomolekülvorstufe 110
 - Harnstoffzyklus 100
 - Struktur 85
 - Synthese 112
 - Titrationskurve 89
 - Vorstufe für biogenes Amin 110
 Argininmangel 100
 Argininosuccinat, Harnstoffzyklus 100
 Argininosuccinatlyase 100
 Argininosuccinatsynthetase 100
 - Defekt 101
 Asialoglykoproteinrezeptor 17
 Asparagin 86
 - Abbau 103
 - Desaminierung 98
 - Struktur 85
 - Synthese 112
 Asparaginase 103
 Asparaginsäure, im elektrischen Feld 90
 Aspartat 86
 - Abbau 103
 - Aminogruppendonorator 100
 - Aspartatzzyklus 100
 - Desaminierung 98
 - Gluconeogenese 29–30
 - Harnstoffzyklus 100
 - Malat-Aspartat-Shuttle 47
 - Struktur 85
 - Synthese 112
 - Transaminierung 97
 - Vorstufe für biogenes Amin 110
Aspartataminotransferase, *siehe* Aspartattransaminase
 Aspartatprotease 97
Aspartattransaminase
 - Aspartabbaub 103
 - Aspartatzzyklus 100
 - Gluconeogenese 29–30
 - Glutamatabbau 104
 - Malat-Aspartat-Shuttle 46
 - Transaminierung 97
Aspartatzzyklus 100
AST, siehe Aspartattransaminase 29
ATGL 61
Atherosklerose 79
Atmungskette
 - ATP-Ausbeute 51
 - Bestandteile 48
 - Coenzym 48
 - Cytochrom 49
 - Eisen-Schwertel-Cluster 48
 - Elektronentransport 45, 47–48
 - Energiebilanz 51
 - Energiefreisetzung 47
 - Funktion 45
 - Hemmung 51
 - Komplex 49–50
 - Lokalisierung 46
 - Prinzip 47
 - prothetische Gruppe 48–49
 - Protonenausbeute 51
 - Protonengradient 45, 47, 50
 - Protonentransport 49–50
 - Redoxsystem 47
 - Übersicht 48
 - Ubichinol 48
 - Ubichinon 48–49
Atmungskettenphosphorylierung 47
ATP
 - Atmungskette 50–51
 - Citralsynthase, Regulation 43
 - Citratzyklus 40–41
 - Citratzyklus, Regulation 43
 - Glykolyse 19–21, 24
 - Harnstoffzyklus 100
 - Isocitratdehydrogenase, Regulation 43
 - α -Ketoglutarat-Dehydrogenase, Regulation 43
 - Methioninabbau 105
 - PDH-Komplex, Regulation 39
 - PFK-1, Regulation 24
 - Pyruvatkinase, Regulation 25
ATP-Ausbeute
 - Acetyl-CoA 65, 67
 - Fettsäureabbau 65
 - Glucoseoxidation 51
 - Stearinäure 65
ATP-binding cassette transporter A1, *siehe* ABCA1

ATP-Synthase 50
Atractylosid 52
Azacitidin 8
Azid 51

B

Baufett 55
BCKAD-Enzymkomplex, Defekt 105
Benzylrest 86
Bindung
– glykosidische 10, 12
– glykosidische, Glykogen 33
Biotin
– Acetyl-CoA-Carboxylase 70
– Propionyl-CoA-Carboxylase 64, 104
– Pyruvatcarboxylase 28
1,3-Bisphosphoglycerat 19, 29
Blausäure 51
Blutglucosespiegel, Regulation 23
Bongrekäsäure 52
Branching-Enzym 33
Buttersäure 54
Butyryl-ACP 71

C

Cadaverin, biogenes Amin 110
Calcium
– Citratzyklus, Regulation 43
– Glykogenstoffwechsel 35
– Isocitratdehydrogenase, Regulation 43
– α -Ketoglutarat-Dehydrogenase, Regulation 43
– Phosphorylasekinase, Regulation 35
cAMP
– Glucagon 24, 32, 34
– Insulin 24, 34
cAMP-Response-Element (CRE) 31
cAMP-Response-Element-bindendes Protein (CREB) 32
Carbamoylphosphat 100
Carbamoylphosphatsynthetase 100–101
Carbonsäureamidbindung 91
– Desaminierung 98
Carbonsäureamidgruppe 86
Carbonylcyanid-3-chlorphenylhydrazon 51
Carbonylkohlenstoff 5
Carboxypeptidase 97
Carboxyterminus 91
Cardiolipin 57, 76
Carnitin/Acylcarnitin-Antiporter 62
Carnitin-Acylcarnitin-Translokase 62
Carnitin-Acyltransferase 62
– Regulation 64, 72
Carnitinmangel 62
Carnitin-Palmitoyltransferase 62
– Mangel 62
Carnitin-Zyklus 62
 β -Carotin 60
C-Atom, *siehe* Kohlenstoffatom
CDP-Cholin 75
CDP-Diacylglycerin 76
CDP-Ethanolamin 75
Cellbiose 13, 15
Cellulose 14–15
Ceramid 58, 76
Ceramidanker 58
Ceramidase 58
Ceramidsynthetase 58
Cerebrosid 58–59
– Synthese 76
Cerebrosidsulfotransferase 76

Chiralität 11
Chiralitätszentrum 5, 7, 11
– Aminosäure 84
Cholestan 60
Cholesterin 60
– Ausscheidung 79
– Regulation, zelluläre Aufnahme 82
– Struktur 60
– Transport 81
Cholesterinabbau 79
Cholesterinester 81–82
Cholesterinstein 80
Cholesterinstoffwechsel 77
Cholesterinsynthese 77
– Energiebilanz 79
– Regulation 79
Cholesterintransport, reverser 82
Cholin 57–58
– Aktivierung 75
Chondroitinsulfat 15–16
Chromatografie 94
Chylomikronen 80–81
Chylomikronen-Remnant 81
cis-Aconit 41
cis- Δ^3 -Enoyl-CoA 64
Citrat
– Acetyl-CoA-Carboxylase, Regulation 72
– Citratsynthase, Regulation 43
– Citratzyklus 41, 70
– Fructose-1,6-bisphosphatase, Regulation 32
– Gluconeogenese 29, 32
– Glykolyse 24
– PFK-1, Regulation 24
Citrattyase 70
Citrat/Malat-Antiporter 70
Citratsynthase 29
– Citratzyklus 41, 70
– Regulation 43
Citratzyklus 42
– Energiebilanz 44, 51
– Reaktion 40
– Reaktionsgleichung 45
– Regulation 43
– Verbindung zum Harnstoffzyklus 100
Citrullin 100
– nicht proteinogene Aminosäure 87
CMP 76
Cobalamin
– Methioninsynthase 105
– Methylmalonyl-CoA-Mutase 64
Coenzym, PDH-Komplex 38
Coenzym A
– Citratzyklus 41
– Fettsäureaktivierung 61
– α -Ketoglutarat-Dehydrogenase 41
– Ketonkörperabbau 67, 77
– PDH-Komplex 38
Coenzym Q, *siehe* Ubichinon
Cori-Krankheit 35
CRE 31
CREB 32
Cyanid-Ion, Hemmung der Atmungskette 51
Cystathionin 105
– Cysteinsynthetase 112
Cystathionin- β -Synthase 105
– Homocysteinämie 105
Cysteamin, biogenes Amin 110
Cystein 86, 93
– Abbau 102
– Biomolekülvorstufe 110
– Desaminierung 98
– Methioninabbau 105

– Struktur 85
– Synthese 112
– Vorstufe für biogenes Amin 110
Cysteinprotease 97
Cystin 86, 93
Cytidinmonophosphat, *siehe* CMP
Cytochrom 49
Cytochrom-bc₁-Komplex 49
Cytochrom c 49
Cytochrom-c-Oxidase 50
Cytochrom-c₁-Oxidoreduktase 50
Cytochromreduktase 49
Cytochrom-c-Oxidase, Hemmung 51

D

D-3-Hydroxybutyryl-ACP 71
D-Aldose 5
DAO 111
Darm, Lipoproteinstoffwechsel 81–82
Debranching-Enzym 34
Decarboxylierung
– Aminosäure 98
– Ketogenese 67
– α -Ketoglutarat 41
– Oxalsuccinat 41
– Pentosephosphatweg 26
Decarboxylierung, oxidative
– Energiebilanz 51
– Isocitrat 41
– α -Ketoglutarat 41
– Pyruvat 38
– Reaktionsgleichung 39, 45
Dehydratase 98
Dehydrierung, Malat 41
Dermatansulfat 16
Desaminierung 98
Desaturase 72
D-Fructofuranose
– Bildung 7
– Haworth-Projektion 8
D-Fructopyranose, Haworth-Projektion 8
DGAT 74
D-Glucopyranose
– Bildung 7
– Haworth-Projektion 8
– Konformation 8–9
D-Glucose, Mutarotation 7
DHAP, *siehe* Dihydroxyacetophosphat
D-Hexose-6-Phosphotransferase 23
Diabetes mellitus
– Acetyl-CoA 66
– Ketonkörper 66, 68
Diabetes mellitus Typ 1, Glykogenstoffwechsel 35
Diacylglycerin 58, 74–75
– aktiviertes 76
Diacylglycerin-3-phosphat 56, 74–75
– Aktivierung 76
Diacylglycerin-Acyltransferase 74
Diade, katalytische 97
Diaminoxidase 111
Diastereomer 5, 7, 12
Dichtegradientenzentrifugation 95
Dihydrobiotin 105
Dihydroliponamid, PDH-Komplex 39
Dihydroliponamidacyltransferase 38–39
Dihydroliponamiddehydrogenase 38–39
Dihydroxyacetophosphat
– Fructosestoffwechsel 37
– Gluconeogenese 29
– Glycerin-3-phosphat-Shuttle 47
– Glykolyse 19

Dimethylallylpyrophosphat 77–78
2,4-Dinitrophenol 51
Dipeptid 91
Dipol-Dipol-Wechselwirkung, Protein 93
Disaccharid 12
– reduzierendes/nicht reduzierendes 13
– repetitives 15
Disulfidbrücke, Protein 93
D/L-System
– Aminosäure 84
– Monosaccharid 5, 7
Dolichol 60
Dolicholphosphat 17, 60
Dopamin
– biogenes Amin 110
– Synthese 109
Doppelbindung
– Konfiguration in Fettsäure 54
– partielle 91
– Position in Fettsäure 54
Dünndarm, Abbau von Nahrungslipiden 61

E

Edman-Abbau 95
Einfachzucker 5
Eisen-Schwertel-Cluster 48–49
Elektronensprayionisation 96
Elektronentransport, Entkopplung 51
Elektronentransportkette 45
– Hemmung 51
Elektrophorese, Lipoprotein 81
Elektrophorese auf Celluloseacetat 95
ELISA 95
Enantiomer 5, 11
2,3-Endiol-L-gulonsäurelacton 9
Endopeptidase 97
Endoxidation 45
Endozytose
– Chylomikronen-Remnant 81
– LDL 82
Energiebilanz
– aerobe/anaerobe Glykolyse 21
– Cholesterinsynthese 79
– Citratzyklus 44
– Ertragsphase, Glykolyse 21
– Fettsäureabbau 65
– Fettsäuresynthese 72
– Harnstoffzyklus 100
– Ketonkörperabbau 67
– Ölsäureabbau 65
– Palmitinsäureabbau 65
– Palmitinsäuresynthese 72
– Triacylglycerinsynthese 75
– Vorbereitungsphase, Glykolyse 21
Enolase
– Gluconeogenese 29
– Glykolyse 20
Enoyl-ACP-Reduktase 71
Enoyl-CoA-Hydrolase 63–64
Entkoppler 51
Envelope-Konformation 8
Enzephalopathie, hepatische 101
Epimer 5, 12
Ertragsphase, Glykolyse 19
– Energiebilanz 21
Erythrose-4-phosphat 26
Erythrulose
– Enantiomer 6
– Isomer 7
ETF:Ubichinon-Oxidoreduktase 48–49
Ethanolamin
– Aktivierung 75

- biogenes Amin 110
- Glycerophospholipid 57
- Exopeptidase 97
- Exoprotease 97

- F**
- F_1F_0 -ATPase 50
- F_1F_0 -ATP-Synthase 50
- FAD
 - Atmungskette 48
 - α -Ketoglutarat-Dehydrogenase 41
 - PDH-Komplex 38–39
- $FADH_2$
 - Atmungskette 45, 51
 - Atmungskettenkomplex 49
 - Citratzyklus 40–41
 - elektronentransportierendes Flavoprotein 49
 - Fettsäureoxidation in Peroxisom 64
 - Glycerin-3-phosphat-Shuttle 47
 - β -Oxidation 62
- β -Faltblatt, Protein 92
- Farnesylypyrophosphat 78
- β -Fass, Protein 92
- Fett 55
 - Diabetes mellitus 69
 - Fettsäuresynthese 70
 - Lipolyse 61
- Fettsäure 53–55
 - Aktivierung 61
 - Diabetes mellitus 69
 - Glycerophospholipid 56
 - Glykolipid 58
 - Oxidation in Peroxisom 64
 - Phospholipid 56
 - Sphingophospholipid 57
 - Transport 62, 64, 81
- Fettsäureabbau 61–64
 - *siehe auch* β -Oxidation
 - ATP-Ausbeute 65
 - Diabetes mellitus 69
 - Energiebilanz 65
 - Koordination mit Fettsäuresynthese 72
 - Regulation 64
- Fettsäureacyl-CoA-Desaturase 72
- Fettsäuresynthase, Aufbau 70
- Fettsäuresynthese 70–72
 - Arachidonsäure 72
 - Energiebilanz 72
 - Fettgewebe 70
 - Koordination mit Fettsäureabbau 72
 - Koordination mit Glucoseabbau 73
 - Leber 70
 - α -Linolensäure 72
 - Linolsäure 72
 - Lokalisation 70
 - Ölsäure 72
 - Palmitinsäure 71
 - Reaktion 70
 - Regulation 72
 - Stearinsäure 71
- Fettsäuretransport, Störung 62
- Fischer-Projektion
 - Aminosäure 84
 - Monosaccharid 5
- Flavinadenindinucleotid, *siehe* FAD
- Flavinmononucleotid, *siehe* FMN
- Flavonucleotid, Atmungskette 48
- Flavoprotein 48
 - elektronentransportierendes (ETF) 49
- FMN
 - Atmungskette 48
 - Atmungskettenkomplex 49
- Fokussierung, isoelektrische 95
- Folin-Reagenz 84
- Formiminoglutamat 103
- Fructokinase 37
- Fructose
 - Aufnahme 37
 - Haworth-Projektion 8
 - Konstitutionsisomer 11
 - Reduktion 10
- Fructose-1,6-bisphosphat
 - Gluconeogenese 29
 - Glykolyse 19
 - Pyruvatkinase, Regulation 25
- Fructose-1,6-bisphosphat-Aldolase, Glykolyse 19
- Fructose-1,6-bisphosphatase
 - Gluconeogenese 26, 29, 32
 - Regulation 32
- Fructose-1-phosphat 37–38
- Fructose-1-phosphat-Aldolase 37
- Fructose-2,6-bisphosphat
 - Gluconeogenese 32
 - Glykolyse 24
 - PFK-1, Regulation 24
- Fructose-2,6-bisphosphat, Fructose-1,6-bisphosphatase, Regulation 32
- Fructose-2,6-bisphosphatase 24
- Fructose-6-phosphat
 - Gluconeogenese 29
 - Glykolyse 19
 - Pentosephosphatweg 26
- Fructoseintoleranz, hereditäre 38
- Fructosestoffwechsel 37
- Fumarase 41
- Fumarat
 - Aminosäureabbau 105
 - Citratzyklus 41
 - Harnstoffzyklus 100
 - Malat-Aspartat-Shuttle 100
- Fumarhydratase 41
- Fumarylacetacet 105
- Furanose 7
 - Konformation 8

- G**
- GABA
 - biogenes Amin 110
 - nicht proteinogene Aminosäure 87
- Galaktokinase 36
 - Galactosestoffwechsel 36
- Galactosämie, hereditäre 36
- Galactose 16
 - Diastereomer 12
 - Epimer 5, 12
 - Fischer-Projektion 7
 - Haworth-Projektion 8
 - Lactosesynthetase 37
 - Stoffwechsel 36–37
- Galactose-1-phosphat 36
 - Galactosestoffwechsel 36
- Galactose-1-phosphat-Uridyltransferase, Galactosestoffwechsel 36
- Galactosespiegel 36
- Galacturonsäure 9
- Gallencholesterin 80
- Gallensäure, Cholesterinabbau 79
- Gangliosid 58–59
 - Synthese 76
- GAP, *siehe* Glycerinaldehyd-3-phosphat
- GAPDH, *siehe* Glycerinaldehyd-3-phosphat-Dehydrogenase
- Gelektrophorese 94
- Gelfiltrationschromatografie 94
- Geranylgeranylpyrophosphat-Synthase 78
- Geranylpyrophosphat 78
- GLDH 98
- Glucagon
 - Acetyl-CoA-Carboxylase, Regulation 72
 - Adenylatzyklase 24, 34
 - cAMP 24, 32, 34
 - Cholesterinsynthetase 79
 - Fettsäuresynthetase 72
 - Gluconeogenese 31
 - Glucose-6-phosphatase, Regulation 32
 - Glykogenstoffwechsel 34
 - Glykolyse 24
 - HMG-CoA-Reduktase, Regulation 79
 - PFK-1, Regulation 24
 - Phosphoenolpyruvat-Carboxykinase, Regulation 31–32
- 1,4 \rightarrow 1,4-Glucantransferase 34
- Glucarsäure 9
- Glucokinase
 - Eigenschaft 23
 - Glykogenstoffwechsel 33
 - Michaelis-Konstante 23
 - Regulation 23
- Glucokinasesregulatorprotein 23
- Gluconeogenese 28
 - Diabetes mellitus 69
 - Energiebilanz 29
 - Regulation 30
 - Schlüsselenzym 29
 - Substrat 30
 - Zusammenspiel mit Glykolyse 30
- Gluconolactonase 25
- Gluconolactonhydrolase 25
- Gluconsäure 9
- Gluconsäurelacton-6-phosphat 25
- Glucosamin 15–16
- Glucose
 - aktivierte 33
 - Anomer 12
 - ATP-Ausbeute der Oxidation 51
 - Diastereomer 12
 - Enantiomer 11
 - Energiebilanz des Abbaus zu CO_2 45
 - Epimer 5, 12
 - Fischer-Projektion 7
 - Gleichgewicht im Körper 29
 - Gluconeogenese 29
 - Glykogenphosphorylase, Regulation 35
 - Glykogenstoffwechsel 35
 - Glykogensynthetase 32
 - Haworth-Projektion 8
 - O_2 -Verbrauch der Oxidation 52
 - Oxidation 9
 - Reduktion 10
 - Stoffwechsel 18
- Glucose-1-phosphat 33
 - Galactosestoffwechsel 36–37
 - Glykogenstoffwechsel 33
- Glucose-1-phosphat-UTP-Transferase
 - Galactosestoffwechsel 37
 - Glykogenstoffwechsel 33
- Glucuronat 15
- Glucuronsäure 9, 15–16
- Glutamat 86
 - Abbau 104
 - Ammoniakentoxikation 100
 - Desaminierung 98
 - Gluconeogenese 30
 - Malat-Aspartat-Shuttle 47
 - Struktur 85
 - Synthese 112
 - Transaminierung 97
 - Vorstufe für biogenes Amin 110
- Glutamat/Aspartat-Antporter 47
- Glutamatdehydrogenase 98
 - Glutamatabbau 104
- Glutamatfamilie, Synthese 112
- Glutamat-Oxalacetat-Transaminase 97
- Glutamat-Pyruvat-Transaminase, *siehe* Alanintransaminase
- Glutamin 86
 - Abbau 103
 - Desaminierung 98
 - Gluconeogenese 30
 - NH_3 -Entsorgung 100
 - Struktur 85
 - Synthese 112
- Glutaminase 98, 103
- Glutaminsäure
 - im elektrischen Feld 90
 - isoelektrischer Punkt 90
- Glutaminsynthetase 100, 112
- Glutaryl-CoA, Tryptophanabbau 106
- Glyceral-3-phosphat 19
- Glycerin 55
 - Aktivierung 74
 - Gluconeogenese 30
 - Glycerophospholipid 56
 - Glykolipid 58
 - Phospholipid 56
- Glycerin-3-phosphat
 - Glycerin-3-phosphat-Shuttle 47
 - Triacylglycerinsynthese 74
- Glycerin-3-phosphat-Acyltransferase (GPAT) 74
- Glycerin-3-phosphat-Dehydrogenase 48–49, 74
 - Glycerin-3-phosphat-Shuttle 47
- Glycerin-3-phosphat-Shuttle 46–49
- Glycerinaldehyd
 - Enantiomer 5
 - Fischer-Projektion 5
 - Fructosestoffwechsel 37
 - Isomere 5
- Glycerinaldehyd-3-phosphat
 - Fructosestoffwechsel 37
 - Gluconeogenese 29
 - Glykolyse 19
 - Pentosephosphatweg 26
- Glycerinaldehyd-3-phosphat-Dehydrogenase 19–20
- Glycerinaldehydkinase 37
- Glycerinkinase 74
- Glyceroglykolipid 58

- Glyceron-3-phosphat 19
 α -Glycerophosphat 74
 Glycerophosphatid 56, 74
 Glycerophosphatshuttle 47
 Glycerophospholipid 56
 - Spaltung 57
 - Synthese 75
 Glycin 86
 - Abbau 102–103
 - Biomolekülvorstufe 109
 - isoelektrischer Punkt 90
 - Struktur 85
 - Synthese 112
 Glykan 14
 Glykogen 14–15
 - Stoffwechsel 32
 Glykogenabbau
 - Diabetes mellitus 69
 - Reaktion 33
 Glykogenin 33
 Glykogenolyse, *siehe* Glykogenabbau
 Glykogenose 35
 Glykogenphosphorylase
 - Glykogenstoffwechsel 34
 - Regulation 34–35
 Glykogenstoffwechsel, Regulation 34
 Glykogensynthase 33
 - Regulation 34–35
 Glykogensynthasekinase 3 34–35
 Glykogensynthese, Reaktion 32
 Glykolipid 56, 58
 Glykolyse 18, 23–24
 - aerobe/anaerobe 21
 - Energiebilanz 21, 51
 - Ertragsphase 19
 - irreversible Reaktion 28
 - Reaktion 18–19
 - Reaktionsgleichung 45
 - Regulation 22
 - Schlüsselenzym 24
 - Vorbereitungsphase 19
 - Zusammenspiel mit Gluconeogenese 30
 Glykon 10
 Glykoprotein 17
 Glykosaminoglykan 15–16
 Glykosid 10
 glykosidische Bindung 12
 Glycosphingolipid 58
 Glykosylierung 17
 Glykosyltransferase 17, 76
 Gonan 60
 GPAT (Glycerin-3-phosphat-Acyltransferase 1) 74
 Gruppe, prosthetische 48–49
 GSK-3 35
 GTP, Citratzyklus 40–41
 Guanidinogruppe 86
- H**
- Halbacetal 7
 - Bildung 7, 10
 Halbäquivalenzpunkt, Titrationskurve 89
 Halbketal 7
 Häm
 - Atmungskettenkomplex 49–50
 - Aufbau 49
 - Cytochrom-c-Oxidase 50
 Harnstoff 100
 - Berechnung der Menge 101
 Harnstoffzyklus 100
 Haworth-Projektion 7–8
 HDL 80, 82
 α -Helix, Protein 92

- Heparansulfat 15–16
 Heparin 15–16
 Herzleistung, Katecholamin 25
 Herzmuskel, Glykolyse 24
 Heteroglykan 15
 Hexokinase
 - Eigenschaft 23
 - Galactosestoffwechsel 37
 - Glykogenstoffwechsel 33
 - Glykolyse 19, 23
 - Michaelis-Konstante 23
 - Regulation 23
 - Vergleich der Isoenzyme 23
 Hexose 5
 Hexosemonophosphatweg 25
 high density lipoprotein, *siehe* HDL
 Histamin, biogenes Amin 110
 Histidin 86
 - Abbau 103
 - Pufferwirkung 86
 - Struktur 85
 - Synthese 112
 - Vorstufe für biogenes Amin 110
 HMG-CoA 77
 - Ketogenese 67
 - Leucinabbau 107
 HMG-CoA-Lyase 67
 HMG-CoA-Reduktase
 - Cholesterinsynthese 77
 - Regulation 79
 HMG-CoA-Synthase
 - Cholesterinsynthese 77
 - Ketogenese 67
 Homocystein 105
 - Anreicherung 105
 - nicht proteinogene Aminosäure 87
 Homogentisat 105
 Homogentisatdioxygenase 105
 Homoglykan 14
 Homoserin 105
 HSL 61
 Hyaluronat 15–16
 Hyaluronidase 16
 Hydratisierung, Fumarat 41
 Hydridion
 - GAPDH-Reaktion 20
 - LDH-Reaktion 21
 Hydrogencarbonat, Harnstoffzyklus 100
 Hydrolase, saure, Mangel 59
 Hydrolyse, Protein 95
 3-Hydroxy-3-methylglutaryl-CoA 77
 3-Hydroxy-3-methylglutaryl-CoA-Reduktase, *siehe* HMG-CoA-Reduktase
 3-Hydroxy-3-methylglutaryl-CoA-Synthase, *siehe* HMG-CoA-Synthase
 3-Hydroxyacyl-ACP-Dehydratase 71
 3-Hydroxyanthranilat, Tryptophanabbau 106
 3-Hydroxybutyrat 66–67
 3-Hydroxybutyrat-Dehydrogenase 67
 Hydroxyethyl-TPP 39
 2-Hydroxyglutarat 41
 Hydroxygruppe, halbacetalische 10
 4-Hydroxyphenylalanin, *siehe* Tyrosin
 5-Hydroxytryptamin, *siehe* Serotonin
 5-Hydroxytryptophan 108
 - Vorstufe für biogenes Amin 110
 5-Hydroxytryptophan-decarboxylase 108
 Hyperammonämie 100
 - chronische 101
 Hypercholesterinämie 79, 82
 Hyperchylomikronämie 81
 Hyperhomocysteinämie 105
 Hyperlipoproteinämie 79
- Hyperphenylalaninämie 106
 Hypoglykämie
 - Acetyl-Co-Dehydrogenase-Mangel 31
 - Fructoseintoleranz 38
 - Galactosämie 36
 - hypoketotische 62
 - Insulin 24

I

IDL 80–81
 Iduronsäure 15–16
 IEF 95
 Imidazolring 86
 Indolring 86
 Inositol 57
 Inositol 76
 Insulin
 - Acetyl-CoA-Carboxylase, Regulation 72
 - cAMP 24
 - Cholesterinsynthese 79
 - Fettgewebe 69
 - Fettsäuresynthese 72
 - Gluconeogenese 31–32
 - Glucose-6-phosphatase, Regulation 32
 - Glykogenstoffwechsel 34
 - Glykolyse 24
 - HMG-CoA-Reduktase, Regulation 79
 - PDH-Komplex, Regulation 39
 - PFK-1, Regulation 24
 - Phosphoenolpyruvat-Carboxykinase, Regulation 32
 - Pyruvakinase, Regulation 25
 Intermediärstoffwechsel, Citratzyklus 42
 intermediate density lipoproteins, *siehe* IDL
 Ionenaustauschchromatografie 94
 Isocitrat
 - Citratzyklus 41
 - Isocitratdehydrogenase, Regulation 43
 Isocitratdehydrogenase
 - Citratzyklus 41
 - Regulation 43
 Isoleucin 86
 - Abbau 104–105
 - Abbau, gestörter 105
 - Struktur 85
 Isomaltose 13
 Isomer 11
 Isomerase, β -Oxidation 64
 Isomerisierung, Citrat 41
 Isopentenylpyrophosphat 77–78
 Isopentenylpyrophosphat-isomerase 77
 Isopeptidbindung 97
 Isopren 59
 - aktiviertes 77–78
 Isoprenoid 59

K

Kapillarelektrophorese 95
 Kardiomyopathie 62
 Katalase 64
 Katecholamin
 - Herzleistung 25
 - PFKFB, Regulation 24
 - Synthese 109
 Keratansulfat 15–16
 Kernglykosid 17
 3-Keto-6-phosphogluconat 26
 3-Ketoacyl-ACP-Reduktase 71

3-Ketoacyl-ACP-Synthase 71
 3-Ketoacyl-CoA 63
 3-Ketoacyl-CoA-Transferase 67
 α -Ketoadipat
 - Lysinabbau 107
 - Tryptophanabbau 106
 Ketoazidose, metabolische 35, 69
 α -Ketobutyrat
 - Methioninabbau 105
 - Threoninabbau 103, 105
 Ketogenese 67
 α -Ketoglutarat
 - Aspartatzzyklus 100
 - Citratzyklus 41
 - Desaminierung 98
 - Glutamatabbau 104
 - Malat-Aspartat-Shuttle 46
 - Synthese der Glutamatfamilie 112
 - Transaminierung 97 α -Ketoglutarat-Dehydrogenase 41
 - Regulation 43
 2-Keto-L-gulonsäure 9
 Ketonkörper 66, 68
 - Diabetes mellitus 66, 68
 - Leber 69
 - Nahrungskarenz 66, 68
 Ketonkörperabbau 67
 - Energiebilanz 67
 Ketonkörpersynthese, *siehe* Ketogenese
 α -Ketosäure
 - Desaminierung 98
 - Transaminierung 97 α -Ketosäure-Dehydrogenase, Defekt 105
 Ketose 5–7
 - Ringschluss 7
 3-Ketothiolase 63, 77
 - Ketogenese 67
 - Ketonkörperabbau 67
 Kohlendioxid, Citratzyklus 40–41
 Kohlenhydrat, Stereochemie 11
 Kohlenhydratstoffwechsel
 - Fructose 37
 - Galactose 36
 - Gluconeogenese 28
 - Glykogen 32
 - Glykolyse 18
 - Lactose 36
 - oxidative Decarboxylierung, Pyruvat 38
 - Pentosephosphatweg 25
 Kohlenmonoxid, Hemmung der Atmungskette 51
 ω -Kohlenstoff 54
 Kohlenstoffatom
 - Aminosäure 84
 - anomeres 7, 12–13
 - asymmetrisch substituiertes 5, 7, 11
 - chirales 5, 11
 - Nummerierung in Fettsäure 54
 Konfigurationsisomer 11
 Konformation, Monosaccharid 8
 Konformationsisomer 12
 Konstitutionsisomer 11
 Kopf-an-Kopf-Kondensation 78
 Kopf-an-Schwanz-Kondensation 78
 Koprosterin 80
 Kraft, protonenmotorische 50
 Kreislauf, enterohepatischer 79
 Kupfer
 - Atmungskettenkomplex 50
 - Cytochrom-c-Oxidase 50
 Kynurenin 106

L

- Lactase 36
- Lactat
 - anaerobe Glykolyse 21
 - Gluconeogenese 30
- Lactatdehydrogenase 21
- Lactatgärung 21
- Lactose 13
 - Stoffwechsel 36–37
- Lactoseintoleranz 36
- Lactosynthase 37
- L-Aldose 5
- Lanosterin 78
- L-Ascorbinsäure, Synthese 9–10
- Laserdesorptionsionisation, matrix-unterstützte 96
- Lauge 55
- LCAT, *siehe* Lecithin-Cholesterin-Acyltransferase
- LDL 80, 82
- LDL-Rezeptor 81–82
- LDL-Rezeptor-Gen 82
- LDLR-verwandtes Protein 81
- L-Dopa
 - nicht proteinogene Aminosäure 87
 - Phenylketonurie 106
 - Synthese 109
 - Vorstufe für biogenes Amin 110
- Leber
 - Aminosäureabbau 100
 - Cholesterinsynthese 77
 - Chylomikronen-Remnant 81
 - Diabetes mellitus 69
 - Fettsäuresynthese 70
 - Glykogenstoffwechsel 32–35
 - Harnstoffzyklus 100
 - Ketonkörper 68–69
 - Lipoproteinstoffwechsel 81–82
- Leberfunktionsstörung, Fructoseintoleranz 38
- Lecithin 57
 - Synthese 75
- Lecithin-Cholesterin-Acyltransferase 81–82
- Leucin 86
 - Abbau 107–108
 - Abbau, gestörter 105
 - Struktur 85
- Leucinose 105
- L-3-Hydroxyacyl-CoA 63
- L-3-Hydroxyacyl-CoA-Dehydrogenase 63
- α-Linolensäure 54
 - Synthese 72
- Linolsäure 54
 - Synthese 72
- Lipase
 - Fettgewebe 61
 - hormonsensitive (HSL) 61
- Lipid 53
 - Fettsäure 53
 - Glykolipid 56
 - Phospholipid 56
 - Triacylglycerin 55
- Lipidanker 17
- Lipiddoppelschicht 56
- Lipidstoffwechsel
 - Fettsäureabbau 61
 - Fettsäuresynthese 70
- Lipogenese 74
 - *siehe auch* Triacylglycerinsynthese
- Lipolyse 55, 61
 - *siehe auch* Triacylglycerinabbau
- Insulinwirkung 69
- Reaktion 61

Liponamid

- α-Ketoglutarat-Dehydrogenase 41
- PDH-Komplex 38–39
- Liponsäure
 - α-Ketoglutarat-Dehydrogenase 41
 - PDH-Komplex 38–39
- Lipoprotein 80
 - Elektrophorese 80
 - Stoffwechsel 81
 - Zusammensetzung 80
- Lipoproteinlipase 81
- Liposom 56
- low density lipoprotein, *siehe* LDL
- Lysin 86
 - Abbau 107
 - Biomolekülvorstufe 110
 - im elektrischen Feld 90
 - isoelektrischer Punkt 91
 - Struktur 85
 - Vorstufe für biogenes Amin 110

M

- Malat 41
 - Gluconeogenese 28
 - Malat-Aspartat-Shuttle 47, 100
- Malat-Aspartat-Shuttle 46, 70, 100
- Malatdehydrogenase 28, 41, 47, 70
- Malatenzym 29
- Malat/α-Ketoglutarat-Antiporter 47, 70
- Maleylacetacetat 105
- Malonyl-CoA
 - Aminosäureabbau 106
 - Carnitin-Acyltransferase, Regulation 64, 72
 - Fettsäuresynthese 70–71
- Maltose 13
- Mannit 10
- Mannitol 10
- Mannose
 - Epimer 5, 12
 - Fischer-Projektion 7
 - Haworth-Projektion 8
 - Konstitutionsisomer 11
- Mannuronsäure 9
- MAO 111
- MAO-Hemmer 111
- Massenspektrometrie 96
- Melanin 109–110
- Melatonin 109
- Membranfluidität 56, 60
- Metalloprotease 97
- Methionin 86
 - Abbau 104–105
 - Biomolekülvorstufe 110
 - Cysteinsynthese 112
 - Struktur 85
- Methioninsynthase 105
- Methioninzyklus 105
- Methylentetrahydrofolat, Serinhydroxymethyltransferase 103
- Methylmalonyl-CoA
 - Aminosäureabbau 104
 - β-Oxidation 64
 - Threoninabbau 105
- Methylmalonyl-CoA-Mutase 64
- Mevalonat, Cholesterinsynthese 77
- Michaelis-Konstante
 - Glucokinase 23
 - GLUT 23
 - Hexokinase 23
- Milchsäuregärung 21
- Mitochondrium
 - Atmungskette 46
 - Citratzyklus 40

NADPH

- Fettsäuretransport 61
- Harnstoffzyklus 100
- β-Oxidation 61
- Mizelle 56
- Monoacylglycerinlipase 61
- Monoaminoxidase 111
- Monosaccharid 5
 - asymmetrisches Zentrum 5
 - chemische Eigenschaft 9
 - D/L-System 5, 7
 - Einteilung 5
 - Fischer-Projektion 5
 - Haworth-Projektion 7–8
 - Klassifizierung 5
 - Konformation 8
 - Oxidation 9
 - Reaktionen 9
 - Ringschluss 7
 - Struktur 5
- Morbus von Gierke 35
- MTHFR, *siehe* N⁵,N¹⁰-Methylentetrahydrofolatreduktase, Defekt 105
- ε-N-Trimethyllysin 110

M

- Mucopolysaccharid, saures 15
- Muskulatur
 - anaerobe Glykolyse 21
 - Diabetes mellitus 68
 - Glykogenstoffwechsel 32–35
- Mutarotation 7
- Myristinsäure 54

N

- N⁵,N¹⁰-Methylentetrahydrofolatreduktase, Homocysteinämie 105
- N-Acetyl-5-hydroxytryptamin 109
- N-Acetylgalactosamin 15–16
- N-Acetylglucosamin 15–16
- N-Acetylglutamat, Carbamoylphosphatsynthetase, Regulation 101
- N-Acetylglutamat synthase 101
- N-Acetyleneuraminsäure 76
 - Gangliosid 58
 - Plasmaprotein 17
- NAD
 - anerobe Glykolyse 21
 - Isocitratdehydrogenase, Regulation 43
 - α-Ketoglutarat-Dehydrogenase 41
 - PDH-Komplex 38–39
 - Tryptophanabbau 106
- NADH
 - anaerobe Glykolyse 21
 - Atmungskette 45, 51
 - Citralsynthase, Regulation 43
 - Citratzyklus 40–41
 - Fructosesynthese 37
 - Glycerin-3-phosphat-Shuttle 47
 - Glykolyse 19, 21
 - Isocitratdehydrogenase, Regulation 43
 - α-Ketoglutarat-Dehydrogenase, Regulation 43
 - Ketonkörperabbau 67
 - Malat-Aspartat-Shuttle 47
 - β-Oxidation 63
 - PDH-Komplex, Regulation 39
- NADH-Dehydrogenase 49
- NADH/NAD⁺-Quotient, Citratzyklus, Regulation 43
- NADH:Ubichinon-Oxidoreduktase 49
- NADP
 - Fructosesynthese 37
 - Glucose-6-phosphat-Dehydrogenase, Regulation 27
 - Tryptophanabbau 106

O

- O-Glykosylierung 17
- Öl 55
- Oligomycin 51
- Oligopeptid 91
- Oligosaccharid 14
- Ölsäure 54
 - β-Oxidation, Bilanz 65
 - Synthese 72
- On-Säure 9
- Ornithin
 - Harnstoffzyklus 100
 - nicht proteinogene Aminosäure 87
 - Vorstufe für biogenes Amin 110
- Ornithincarbamoyltransferase 100
- Ornithin/Citrullin-Antiporter 100
- Ornithintrancarbamoylase 100
 - Defekt 101
- Ornithinzyklus 100
- Oxalacetat 70
 - Aminosäureabbau 103
 - Citratzyklus 41
 - Citratzyklus, Regulation 43
 - Gluconeogenese 28, 30
 - Malat-Aspartat-Shuttle 46
 - Succinatdehydrogenase, Regulation 43
 - Transaminierung 97
 - Transport 28
- Oxalsuccinat 41
- β-Oxidation 61–64
 - *siehe auch* Fettsäureabbau
 - Regulation 64
- 3-Oxobutansäure 66
- 2-Oxoglutarat, Citratzyklus 41

P

- Palmitinsäure 54
 - Energiebilanz, Synthese 72
 - β-Oxidation, Bilanz 65
 - Synthese 71
- Palmitoleinsäure 54
- Palmitoyl-CoA, Acetyl-CoA-Carboxylase, Regulation 72
- PALP, *siehe* Pyridoxalphosphat
- Pankreaslipase 61
- PAPS 76
- PDH-Kinase 39
- PDH-Komplex 38
- PDH-Phosphatase 39
- Pentose 5

Pentosephosphatweg 25–26
 – NADPH-Gewinn 27
 – Regulation 27
PEP, *siehe* Phosphoenolpyruvat
Peptidbindung 91
Peroxidanion 64
Peroxisom, Fettsäureoxidation 64
PFK-1, *siehe* Phosphofructokinase-1
PFKFB (Phosphofructokinase-2/Fructose-2,6-bisphosphatase) 24
PFKFBP, *siehe* PFKFB
PGK, *siehe* Phosphoglyceratkinase
Phenylacetat 106
Phenylacetylglutamin 106
Phenylalanin 86
 – Abbau 105–106
 – Struktur 85
 – Transaminierung 106
Phenylalaninhydroxylase 105, 109
 – Mangel 106
Phenylketonurie 106
Phenyllactat 106
Phenylpyruvat 106
Phosphatid 56
Phosphatidat 56, 75
 – Aktivierung 76
 – Synthese 74
Phosphatidsäure 74
 – *siehe auch* Phosphatidat
Phosphatidylcholin 57
 – Synthese 75
Phosphatidylethanolamin 57
 – Synthese 75
Phosphatidylglycerin 57
 – Synthese 76
Phosphatidylglycerin-3-phosphat 76
Phosphatidylinositol 57
 – Synthese 76
Phosphatidylserin 57
 – Synthese 76
3-Phospho-5-pyrophosphomevalonat 77
Phosphoadenosinphosphosulfat 76
Phosphodiesterase 24
 – Insulin 34
Phosphoenolpyruvat 20
Phosphoenolpyruvat-Carboxykinase
 – Gluconeogenese 29–31
 – Regulation 31
Phosphofructokinase-1
 – Glykolyse 19, 24
 – Regulation 24
Phosphofructokinase-2 24
Phosphofructokinase-2/Fructose-2,6-bisphosphatase (PFKFB) 24
Phosphoglucomutase
 – Galactosestoffwechsel 37
 – Glykogenstoffwechsel 33
6-Phosphogluconat 25
6-Phosphogluconat-Dehydrogenase 26
6-Phosphogluconatweg 25
6-Phosphogluconolacton 25
3-Phosphoglycerat
 – Aminosäuresynthese 112
 – Gluconeogenese 29
 – Glykolyse 20
Phosphoglyceratkinase
 – Gluconeogenese 29
 – Glykolyse 20
Phosphoglyceratmutase
 – Gluconeogenese 29
 – Glykolyse 20
3-Phosphoglycerinaldehyd 19
Phospholipase 57
Phospholipid 56
 – HDL 82

5-Phosphomevalonat 77
Phosphorylyse 20
Phosphorsäurediester 56
Phosphorsäuremonoester 56
Phosphorylasekinase, Regulation 34–35
Phosphorylierung, oxidative 47, 50
 – Energiebilanz 51
 – Hemmung 51
 – Übersicht 48
p-Hydroxyphenylpyruvat 105
Phyllochinon 60
pl, *siehe* Punkt, isoelektrischer
pK_s-Wert 89
Plasmalogen 57
Plasmaprotein 17
Polyalkohol 10
Polyolweg 37
Polypeptid 91
Polysaccharid 14
Polyubiquitin 97
Prä-β-HDL 82
Prenylpyrophosphat 77
Prenyltransferase 78
Primärstruktur, Protein 92
Produktthemmung, Citratzyklus 43
Prolin 86, 93
 – Abbau 103
 – Struktur 85
 – Synthese 112
Propionyl-CoA
 – Aminosäureabbau 104
 – Fettsäuresynthese 72
 – Gluconeogenese 30
 – β-Oxidation 64
 – β-Oxidation, Bilanz 65
 – Threoninabbau 105
Propionyl-CoA-Carboxylase 64, 104
Protease 97
Proteasom 96
Protein
 – Aminosäuresequenz 96
 – Aminosäurezusammensetzung 95
 – Auftrennung nach Molekülmasse 94
 – Bindungstyp 93
 – Definition 91
 – Funktion 92
 – immunologischer Nachweis 95
 – Molekülmassenbestimmung 94
 – Primärstruktur 92
 – Quartärstruktur 93
 – Sedimentationskoeffizient 95
 – Sekundärstruktur 92
 – Strukturaufklärung 95
 – Tertiärstruktur 93
 – Trennverfahren 94
Proteinabbau, Reaktionsprinzip 96
Proteinase 97
Proteinkinase A 24, 32, 34
Proteinkinase B 34
Proteinphosphatase 24, 34
Proteinsequenzierung 95
Proteinstoffwechsel 96
Proteoglykan 16
Proteolyse 96
Protonengradient 50
 – Atmungskette 45, 47
 – elektrochemischer 45, 47
Punkt, isoelektrischer 89
 – Berechnung 90
 – isoelektrische Fokussierung 95
 – Titrationskurve 89
Putrescin, biogenes Amin 110
Pyranose 7
 – Konformation 8

Pyridoxalphosphat 97–98
 – Cystathionin-β-Synthase 105
 – Decarboxylierung 76
 – 5-Hydroxytryptophan-decarboxylase 108
 – Serindhydratase 102
3-Pyrophosphomevalonat 77
Pyruvat
 – aerobe/anaerobe Glykolyse 21
 – Aminosäureabbau 102
 – Ammoniakentgiftung 100
 – Decarboxylierung 38
 – Energiebilanz des Abbaus zu CO₂ 44
 – Glykolyse 20
 – Reduktion 21
 – Transaminierung 97
Pyruvatecarboxylase
 – Gluconeogenese 28, 30–31
 – Regulation 31
Pyruvatedehydrogenase 38
 – Pyruvatecarboxylierung 39
Pyruvatedehydrogenasekomplex, *siehe*
 – PDH-Komplex
Pyruvatkinaise
 – Glykolyse 20, 25
 – Regulation 25

Q

Q-Pool 49
Quartärstruktur, Protein 93

R

Racemase, β-Oxidation 64
Reaktion
 – anaplerotische 43
 – Fettsäuresynthese 70
 – Glykogenabbau 33
 – Glykogensynthese 32
 – Triacylglycerinsynthese 74
Reduktionsäquivalent 45, 47
Regulation
 – Citratzyklus 43
 – Gluconeogenese 30
 – Glykogenstoffwechsel 34
 – Glykolyse 22
 – Harnstoffzyklus 101
 – oxidative Decarboxylierung 39
 – Pentosephosphatweg 27
Remnant 81
Retinol 60
Rhabdomyolyse 62
Rhythmus, zirkadianer, Regulation 109
Ribavirin 8
Ribose, Haworth-Projektion 8
Ribose-5-phosphat, Pentosephosphatweg 25–26
Ribulose-5-phosphat, Pentosephosphatweg 25–26
Ribulose-5-phosphat-Epimerase 26
Ribulose-5-phosphat-Isomerase 26
Ringschluss, Monosaccharid 7
Röntgenstrukturanalyse, Protein 96
Rotenon 51

Sauerstoff
 – Atmungskette 45, 50
 – Atmungskettenkomplex 50
 – Elektronenübertragung 50
 – Fettsäureoxidation in Peroxisom 64
Säureanhydrid 20
Säureanhydridbindung 20
Säure-Base-Titration, Aminosäure 89
Schiff-Base
 – Decarboxylierung, Aminosäure 98
 – Transaminierung 97
Schlaf-Wach-Rhythmus, Regulation 109
β-Schleife, Protein 92
Schwefelwasserstoff 51
SDS 94
SDS-Polyacrylamidelektrophorese 94
Sedoheptulose-7-phosphat 26
Seife 55
Sekundärstruktur, Protein 92
Selenocystein 84
Selenomethionin, nicht proteinogene
 – Aminosäure 87
Semichinon 48
Serin 86
 – Abbau 102
 – Biomolekülvorstufe 110
 – Desaminierung 98
 – Glycerophospholipid 57
 – Struktur 85
 – Synthese 112
 – Vorstufe für biogenes Amin 110
Serindhydratase 102
Serinhydroxymethyltransferase 103
Serinprotease 97
Serotonin 108–109
 – biogenes Amin 110
Sesselkonformation 8–9, 12
Sorbit 10
Sorbitol
 – Fructosesynthese 37
 – Synthese 10
Sorbitoldehydrogenase 37
Speicherkrankheit, lysosomale 59
Sphingoglykolipid 58
 – Synthese 76
Sphingoidbase 56–58
Sphingolipid 58
 – Synthese 76
Sphingolipidose 59
Sphingomyelin 58
 – Synthese 76
Sphingomyelinase 76
Sphingophospholipid 57–58
 – Synthese 76
Sphingosin
 – Glykolipid 58
 – Phospholipid 56
 – Sphingophospholipid 57
Squalen 60
 – Cholesterinsynthese 78
Squalenepoxid 78
Squalenmonooxygenase 78
Squalensynthase 78
SREBP 79
Stärke 14–15
Statin 79
Stearinsäure 54
 – ATP-Ausbeute 65
 – Synthese 71
Steran 60
Stereoisomer 5, 11
Stereozentrum 5, 11
Sterin 60
Steroid 60

S

Saccharopin 107
Saccharopindehydrogenase 107
Saccharose 13–14
S-Adenosylhomocystein 105
S-Adenosylmethionin 110
 – Methioninabbau 105
 – Methylgruppentransfer 76
 – Struktur 105

Sterol 60
 Strukturisomer 11
 Substratkettenphosphorylierung 18
 – Citratzyklus 41
 – Glykolyse 20
 Succinat 41
 – Ketonkörperabbau 67
 – Succinatdehydrogenase, Regulation 43
 Succinatdehydrogenase 49
 – Citratzyklus 41
 – Regulation 43
 Succinat:Ubichinon-Oxidoreduktase 49
 Succinyl-CoA
 – Aminosäureabbau 104
 – Citratsynthase, Regulation 43
 – Citratzyklus 41
 – Gluconeogenese 30
 – α -Ketoglutarat-Dehydrogenase, Regulation 43
 – β -Oxidation 64
 – Threoninabbau 103, 105
 Succinyl-CoA-Acetyl-CoA-Transferase 67
 Succinyl-CoA-Synthetase 41
 Sulfat, Cysteinabbau 103
 Sulfatgruppe 15–16
 Sulfatid 58

T

Tandemmassenspektrometrie 96
 Taurin 110
 Terpen 60
 Terpenoid 60
 Tertiärstruktur, Protein 93
 Tetrahydrobiopterin
 – Phenylalaninhydroxylase 105–106, 109
 – Serotonin synthase 108
 – Synthese, gestörte 106
 Tetrose 5
 Thiaminpyrophosphat
 – α -Ketoglutarat-Dehydrogenase 41
 – PDH-Komplex 38–39
 – Transketolase 26

Thioester 20, 62
 Thioetherbindung 86
 Thiohalbacetal 20
 Thiokinase 62
 Threonin 86
 – Abbau 102–105
 – Desaminierung 98
 – Struktur 85
 – Vorstufe für biogenes Amin 110
 Threonindehydrogenase 103
 Threonindesaminase 105
 Titrationskurve, Aminosäure 89
 Tocopherol 60
 TPP, *siehe* Thiaminpyrophosphat
 Transaldolase 26
 Transaminase 97
 Transaminierung 97
 Transketolase 26
trans- Δ^2 -Butenoyl-ACP 71
trans- Δ^2 -Enoyl-CoA 62, 64
 Trehalose 14
 Triacylglycerin 55
 – Chylomikronen 81
 – Speicher 61
 – VLDL 81
 Triacylglycerinabbau 61
 – *siehe auch* Lipolyse
 Triacylglycerinsynthetase 74
 – *siehe auch* Lipogenese
 – Ausgangsprodukt 74
 – Energiebilanz 75
 – Reaktion 74
 Triacylglycerol 55
 Triade, katalytische 97
 Triglycerid 55
 Triose 5
 Triosekinase 37
 Triosephosphatisomerase 26
 – Fructosestoffwechsel 37
 – Gluconeogenese 29
 – Glykolyse 19
 Tryptophan 86
 – Abbau 106–107
 – Biomolekülvorstufe 108
 – Struktur 85
 Tryptophandioxxygenase 106
 Tyramin, biogenes Amin 110

Tyrosin 86
 – Abbau 105–106
 – Biomolekülvorstufe 109
 – Phenylalaninabbau 105
 – Phenylketonurie 106
 – Struktur 85
 – Synthese 112
 – Vorstufe für biogenes Amin 110
 Tyrosinhydroxylase
 – Hemmung 106
 – Mangel 109

U

Ubichinol 48–49
 – Quellen 49
 Ubichinol:Cytochrom-c-Oxidoreduktase 49
 Ubichinon 48–49, 60
 Ubichinon-Pool 49
 Ubiquitin 97
 Ubiquitiniierung 97
 Ubiquitinligase 97
 UDP-Galactose 36–37
 UDP-Galactose-4-Epimerase 36–37
 UDP-Glucose
 – Galactosestoffwechsel 36–37
 – Glykogenstoffwechsel 33
 Uridindiphosphat, *siehe* UTP
 Uronsäure 9, 15
 UTP-Glucose-1-phosphat-Uridyltransferase 33

V

Valin 86
 – Abbau 104–105
 – Abbau, gestörter 105
 – Struktur 85
 Van-der-Waals-Kräfte 93
 very low density lipoprotein, *siehe* VLDL
 Verzweigkettenkrankheit 105
 Verzweigketten- α -Ketosäure-Dehydrogenase, Mangel 105
 Verzweigungsenzym 33
 Vitamin, fettlösliches 60
 Vitamin A 60

Vitamin B₆, Decarboxylierung 76
 Vitamin B₁₂
 – Aminosäureabbau 104
 – Methioninsynthase 105
 – Methylmalonyl-CoA-Mutase 64
 Vitamin C, Tyrosinabbau 105
 Vitamin D 60
 Vitamin E 60
 Vitamin H, Propionyl-CoA-Carboxylase 64
 Vitamin K 60
 VLDL 80–81
 Vollacetal, Bildung 10
 Vorbereitungsphase, Glykolyse 19
 – Energiebilanz 21

W

Wannenkonformation 8–9, 12
 Wasserstoffbrücke, Protein 92–93
 Wasserstoffperoxid 64
 Wechselwirkung
 – Dipol-Dipol- 93
 – hydrophobe, Protein 93
 – ionische, Protein 93
 Western-Blot 95

X

Xylulose-5-phosphat 26

Z

Zentrifugation, differenzielle 95
 Zentrum
 – asymmetrisches, Kohlenhydrat 5
 – stereogenes 5, 11
 Zucker
 – reduzierender 9, 13
 – reduzierender/nicht reduzierender 13
 Zuckerkalkohol 10
 Zuckersäure 9
 Zwitterion 88
 zyklisches Adenosinmonophosphat, *siehe* cAMP